

## [Akceptuje](#)

W ramach naszej witryny stosujemy pliki cookies w celu świadczenia państwu usług na najwyższym poziomie, w tym w sposób dostosowany do indywidualnych potrzeb. Korzystanie z witryny bez zmiany ustawień dotyczących cookies oznacza, że będą one zamieszczone w Państwa urządzeniu końcowym. Możecie Państwo dokonać w każdym czasie zmiany ustawień dotyczących cookies. Więcej szczegółów w naszej [Polityce Prywatności](#)

[Portal](#) [Informacje](#) [Katalog firm](#) [Praca](#) [Szkolenia](#) [Wydarzenia](#) [Porównania międzylaboratoryjne](#)  
[Kontakt](#)



[Laboratoria](#)  
[.net](#)  
[Innowacje](#)  
[Nauka](#)  
[Technologie](#)



[Logowanie](#) [Rejestracja](#) [pl](#)

Newsletter

zapisz się

Naukowy styl życia

Nauka i biznes

- [Nowe technologie](#)
- [Felieton](#)
- [Tygodnik "Nature"](#)
- [Edukacja](#)
- [Artykuły](#)
- [Przemysł](#)

[Strona główna](#) > [Informacje](#)

## Zsekwencjonowano genom wyjątkowo agresywnego chłoniaka



**Hiszpańscy naukowcy zsekwencjonowali genom wyjątkowo agresywnego i trudnego w leczeniu nowotworu - chłoniaka z komórek płaszczka. Autorzy odkrycia mają nadzieję, że przełoży się ono na lepsze zrozumienie przyczyn rozwoju tej choroby oraz pozwoli opracować nowe metody leczenia.**

Chłoniak z komórek płaszczka (mantle cell lymphoma - MCL) to wyjątkowo agresywny nowotwór wywodzący się z limfocytów B. Występuje dość powszechnie u osób około 60-65. roku życia, częściej u mężczyzn. Ma charakter nawrotowy. Najczęściej rozpoznawany jest w stanie zaawansowanym, gdy zajęte są już węzły chłonne, szpik kostny, krew, przewód pokarmowy i śledziona.

Obecnie nie istnieje żaden standard leczenia chłoniaka MCL. U pacjentów podejmuje się próby chemioterapii, radioterapii, radioimmunoterapii i autologicznego przeszczepiania komórek macierzystych. Leczenie choroby nawrotowej ma natomiast charakter wyłącznie paliatywny.

W celu identyfikacji zmian molekularnych odpowiedzialnych za powstanie tego nowotworu zespół naukowców z uniwersytetów w Oviedo i w Barcelonie przeprowadził sekwencjonowanie genomu różnych przypadków MCL. Badacze analizowali genom komórek nowotworowych na początku choroby oraz kilka lat po zakończeniu leczenia, kiedy doszło do nawrotów. Miało to na celu określenie zmian genomowych związanych z progresją choroby. Porównali też DNA komórek chłoniaka z prawidłowym DNA limfocytów B.

W efekcie naukowcom udało się zidentyfikować 25 ważnych mutacji związanych z progresją choroby oraz poznać kilka mechanizmów powodujących oporność chłoniaka na chemioterapię.

Wyodrębniono także grupę pacjentów, u których choroba postępowała niezwykle szybko, nie reagując na żadne leczenie, i określono, że za taki przebieg odpowiadają dwie mutacje - w genach NOTCH1 i NOTCH2.

Zdaniem autorów pracy to właśnie te dwie mutacje powinny stać się celem terapeutycznym w nowych metodach leczenia chłoniaka MCL.

Źródło: [www.naukawpolsce.pap.pl](http://www.naukawpolsce.pap.pl)

<http://laboratoria.net/aktualnosci/19835.html>



02-07-2024

## [Ekran dotykowy bez problematycznego indu](#)

Tańsze i bardziej przyjazne środowisku.



02-07-2024

## [Świat atomów i cząsteczek](#)

Jak dzięki różnym metodom obrazowania zobaczyć "całego słonia"



02-07-2024

## [Żyjemy w czasach multitożsamości](#)

Ekspert o mediach społecznościowych.



02-07-2024

## **DLaczego Polki rzadziej jedzą mięso niż Polacy?**

Równość płci może mieć związek ze swobodą wyboru tego, co się je.



02-07-2024

## **Co 3 osoba dorosła zagrożona chorobami z powodu braku ruchu**

Alarmuje Światowa Organizacja Zdrowia.



02-07-2024

## **Cynk może pomóc chronić uprawy przed zmianami klimatu**

Informuje "Nature".



02-07-2024

## **Tancerze są mniej neurotyczni niż ogół**

