

[Akceptuję](#)

W ramach naszej witryny stosujemy pliki cookies w celu świadczenia państwu usług na najwyższym poziomie, w tym w sposób dostosowany do indywidualnych potrzeb. Korzystanie z witryny bez zmiany ustawień dotyczących cookies oznacza, że będą one zamieszczone w Państwa urządzeniu końcowym. Możecie Państwo dokonać w każdym czasie zmiany ustawień dotyczących cookies. Więcej szczegółów w naszej [Polityce Prywatności](#)

[Portal](#) [Informacje](#) [Katalog firm](#) [Praca](#) [Szkolenia](#) [Wydarzenia](#) [Porównania międzylaboratoryjne](#)
[Kontakt](#)



[Laboratoria](#)
[.net](#)
[Innowacje](#)
[Nauka](#)
[Technologie](#)

[Logowanie](#) [Rejestracja](#) [pl](#)

Newsletter

zapisz się



[Strona główna](#) > [Start](#)

Instytut Genetyki Roślin PAN w Poznaniu

Instytut Genetyki Roślin PAN w Poznaniu od ponad 50 lat prowadzi badania z zakresu genetyki, genetyki molekularnej oraz hodowli zbóż i traw, roślin strączkowych, rzepaku i innych roślin uprawnych. IGR PAN utrzymuje kolekcje wytworzonych form przekazując placówkom hodowli roślin liczne materiały, które znalazły zastosowanie w tworzeniu nowych odmian. IGR PAN realizując również projekty biotechnologiczne nad wykorzystaniem roślin jako producentów biofarmaceutyków, alternatywnych źródeł energii i innych nawiązuje współpracę z placówkami zainteresowanymi zastosowaniem otrzymanych materiałów lub technologii.



Instytut Genetyki Roślin PAN w Poznaniu wykonując badania podstawowe nad roślinami uprawnymi prowadzi równocześnie kolekcje wytworzonych form. Utrzymuje kontakty z placówkami hodowli roślin przekazując im liczne materiały roślinne, które znalazły zastosowanie w tworzeniu nowych odmian.

Pracownicy naukowcy IGR PAN mogą zaoferować placówkom hodowlanym:

- usługi w zakresie szkoleń metodycznych, wykonania prac genetycznych oraz programów komputerowych,
- konsultacje w dziedzinach, które objęte są planem prac badawczych Instytutu,
- udostępnienie materiałów kolekcyjnych: zbóż, traw i roślin motylkowych
- udostępnienie materiałów kolekcyjnych kultur grzybów mikroskopowych patogenicznych dla roślin.

Oferta prac badawczych i usługowych dla firm branży roślinnej

Aktualna oferta IGR obejmuje następujące zagadnienia:

1. Identyfikacja w materiałach roślinnych genów istotnych dla cech użytkowych za pomocą markerów DNA.
2. Identyfikacja odmian za pomocą markerów biochemicznych i DNA.
3. Transformacja roślin.
4. Wytwarzanie linii pszenżyta i pszenicy o poprawionej odporności na patogeny grzybowe i porastanie.
5. Identyfikacja metabolitów w tkankach roślinnych.



Zboża

- Wytwarzanie linii podwojonych haploidów jęczmienia, pszenicy, pszenżyta.
- Rozmnażanie roślin metodami in vitro.
- Wytwarzanie linii introgressywnych roślin zbożowych z wprowadzonymi genami obcego pochodzenia poszerzającymi zmienność genetyczną dla cech ważnych gospodarczo.
- Analizy cytologiczne chromosomów pszenicy, żyta i pszenżyta
- Komputerowa baza danych genów odporności pszenicy na patogeny grzybowe, baza danych odporności/podatności form pszenicy na fuzariozę kłosa i akumulację mikotoksyn w ziarnie.
- Tworzenie programów dla obróbki i wykorzystania baz danych o genach roślin uprawnych. Identyfikacja genów odporności na patogeny pszenicy za pomocą markerów DNA w materiałach wyjściowych i liniach hodowlanych.
- Wprowadzanie materiałów dla hodowli ze spiramidyzowanymi genami odporności na patogeny oraz odpornością na fuzariozę kłosa i odpornością na akumulację mikotoksyn w ziarnie.
- Identyfikacja genów istotnych dla wartości wypiekowej u pszenicy.
- Charakterystyka składu białek zapasowych zbóż metodami elektroforetycznymi, chromatograficznymi oraz spektroskopii masowej.
- Ilościowa ocena zawartości wysokocząsteczkowych podjednostek białek gluteninowych.

Strączkowe

- Mapowanie genomów rodzaju Pisum, Lupinus i Lathyrus, charakterystyka i lokalizacja na mapie nowych genów, wprowadzanie do mapy nowych markerów molekularnych typu STS i CAPS

- generowanych w oparciu o sekwencje DNA z internetowych baz danych i doniesień literaturowych.
- Analiza cytogenetyczna genomu rodzaju *Lupinus* z zastosowaniem metody fluorescencyjnej hybrydyzacji in situ (FISH).
 - Wykorzystanie markerów DNA i enzymatycznych dla oceny OWT odmian i selekcji materiałów hodowlanych, charakterystyki zmienności genetycznej hodowlanych materiałów wyjściowych i kolekcyjnych. Wytwarzanie materiałów wyjściowych do hodowli roślin strączkowych.

Rzepak

- Szkolenia w zakresie diagnozowania chorób rzepaku ozimego i jarego, wykonywanie testów inokulacyjnych, identyfikacja patogenów za pomocą markerów DNA i enzymatycznych

Trawy

- Wytwarzanie mieszańców międzygatunkowych i międzyrodzajowych traw kompleksu *Lolium-Festuca*.
- Wytwarzanie form introgresywnych życicy wielokwiatowej i życicy trwałej oraz form androgenicznych *Festulolium* o zwiększonej odporności na stresse abiotyczne.
- Identyfikacja mieszańców oddalonych *Lolium-Festuca* i ich form pochodnych (allopoliploidalnych i introgresywnych) przy użyciu metod cytogenetycznych i markerów molekularnych.
- Analiza zmian w proteomie *Festuca pratensis* związanych ze stresem chłodu

Ziemniak i rzepak

- Identyfikacja i izolacja genów - przygotowywanie kolekcji klonów cDNA, klonowanie genów, Southern blot.
- Analiza ekspresji genów - Northern blot, Western blot, test ELISA i immunolokalizacja białek w tkankach i komórkach.
- Określanie sekwencji nukleotydowej DNA.
- Przygotowanie wektorów transformacyjnych.
- Transformacja roślin uprawnych (np. ziemniak, rzepak).
- Wykrywanie transgenów w roślinach transgenicznych.

Sałata, tytoń, groch

- Ekspresja w roślinach białek HBV dla potrzeb szczepionki doustnej i iniekcyjnej przeciwko wzw B.
- Transformacja roślin (sałata, groch, tytoń) za pomocą *Agrobacterium tumefaciens*.
- Tworzenie konstrukcji genowych w oparciu o wektory bakteryjne i binarne.
- Analizy roślin transgenicznych i ekspresji transgenów: PCR, Southern blot, western blot, ELISA.

Statystyka i Biometria

- Opracowywanie wyników doświadczeń roślinnych metodami statystycznymi.
- Konsultacje i szkolenia z zakresu metod biometrycznych.
- Tworzenie oprogramowania i opracowywanie metodologii dla planowania i analizy doświadczeń genetycznych i hodowlanych.

Krajowa Sieć Transgenezy i Genomiki Roślin Uprawnych

www.cropnet.pl

Powstała pod koniec 2003 roku, Sieć Naukowa jest otwartą platformą współpracy krajowych i zagranicznych instytucji naukowych, zainteresowanych szybkim i efektywnym wykorzystaniem informacji powstałych w wyniku sekwencjonowania modelowych genomów roślin i patogenów.

Cele Sieci:

- upowszechnianie wyników badań z zakresu genomiki i transgenezy roślin uprawnych, w formie publikacji i warsztatów
- promowanie współpracy między ośrodkami naukowymi,
- tworzenie i utrzymywanie bioinformatycznych baz danych oraz narzędzi do analiz genomowych

Aktualne i przeszłe projekty:

- bazy danych analogów genów odpornościowych *Oryza sativa* ssp. *japonica* i *Arabidopsis thaliana* cv. Columbia
- baza danych obszarów kolinearnych pomiędzy *Arabidopsis thaliana* i *Brassica napus*
- baza danych markerów molekularnych dla selekcji odmian odpornych (*Triticum aestivum*)

Zapraszamy do współpracy

Instytut Genetyki Roślin **Polskiej Akademii Nauk**

ul. Strzeszyńska 34
60-479, Poznań

tel: (061) 655 02 00, 655 02 75

e-mail: office@igr.poznan.pl

www.igr.pl

<http://laboratoria.net/home/11068.html>

Informacje dnia: [Wirus podobny do SARS-CoV-2 może zakażać ludzi](#) [Odporność na niektóre alergeny pokarmowe może chronić przed COVID-19](#) [Mózg zawodników MMA ma szansę na regenerację](#) [Polska na jednym z ostatnich miejsc pod względem innowacyjności](#) [Szczepionka donosowa lepiej ograniczyłaby SARS-CoV-2](#) [Władze UAM zapowiadają oszczędzanie energii elektrycznej](#) [Wirus podobny do SARS-CoV-2 może zakażać ludzi](#) [Odporność na niektóre alergeny pokarmowe może chronić przed COVID-19](#) [Mózg zawodników MMA ma szansę na regenerację](#) [Polska na jednym z ostatnich miejsc pod względem innowacyjności](#) [Szczepionka donosowa lepiej ograniczyłaby SARS-CoV-2](#) [Władze UAM zapowiadają oszczędzanie energii elektrycznej](#)

Partnerzy